

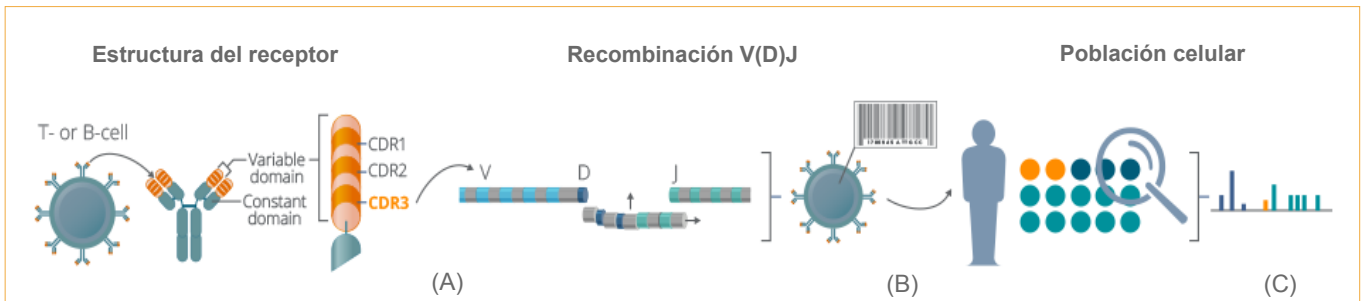
# INFORMACIÓN PRECISA DEL REPERTORIO DE LINFOCITOS T y B MEDIANTE INMUNOSECUENCIACIÓN

Análisis del repertorio inmune mediante **secuenciación masiva (NGS)** con distintos niveles de resolución disponibles, dependiendo de las características de la muestra y objetivo del estudio, permitiendo identificar **millones de células T / B** en una sola muestra biológica.

**Una visión completa y precisa del sistema inmune y, por tanto, del estado de salud del paciente.**

Con numerosas aplicaciones clínicas en **oncología, inmunoterapia, autoinmunidad, trasplante, hematología, respuesta frente a infecciones**, etc, la Inmunosecuenciación constituye una herramienta esencial en la investigación de enfermedades en las que el sistema inmune tiene un papel fundamental, incluyendo el cáncer.

Su incorporación en la clínica permitirá un mayor conocimiento de la enfermedad, y mejorará el diagnóstico, pronóstico y seguimiento y/o monitorización de los pacientes.



**Esquema de la Técnica.** A) Amplificación de las regiones determinantes de la complementariedad (CDRs) de los receptores de linfocitos T y B originadas por recombinación de los segmentos V (variabilidad), D (diversidad), J (unión) del genoma. B) Asignación de códigos a cada una de las combinaciones posibles presentes en el organismo, lo que permitirá determinar el tipo y número de clones y realizar su seguimiento. C) Secuenciación y análisis bioinformático de los datos.

Tipos de muestras :	Cobertura	Consideraciones a tener en cuenta
<ul style="list-style-type: none"> <li>• Células T/B aisladas</li> <li>• Células mononucleares de sangre periférica (PBMCs)</li> <li>• Sangre total</li> <li>• Tejido (FF/FFPE)</li> <li>• gDNA y cDNA</li> </ul>	<b>Survey</b> (2 réplicas)	<ul style="list-style-type: none"> <li>- Muestras clonales</li> <li>- Muestras con bajo nº de células T/B (&lt;100.000 células)</li> <li>- Muestras de tejido no linfóide</li> </ul>
	<b>Deep</b> (6 réplicas)	<ul style="list-style-type: none"> <li>- Estudio del repertorio inmune periférico (sangre, PBMCs y tejido linfóide).</li> <li>- Muestras que requieren gran sensibilidad (detección de clones "raros")</li> </ul>

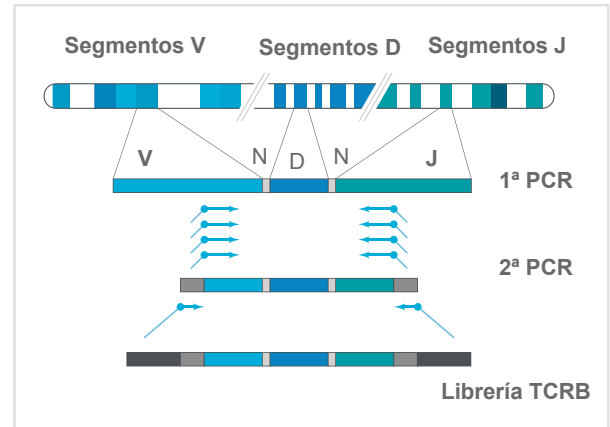
**Opciones disponibles:**

- **ImmunoSeq hsTCRB Kit (TCR beta).**  
Uso en el laboratorio, para tecnología Illumina.

**Técnica:**

PCR en dos pasos para la generación de la librería. Secuenciación en equipos Illumina.  
Análisis de los resultados a través de la plataforma bioinformática *ImmunoSeq Analyzer*.

Orientado principalmente al uso en investigación clínica.



- **ImmunoSEQ Servicio (para TCR y BCR).** Envío de muestras y obtención de los resultados a través de su plataforma bioinformática *ImmunoSeq Analyzer*. Disponible para: TCR-beta, TCR-alpha/delta, TCR-gamma, IGH, IG-kappa/lambda.

**ClonoSeq.** Aplicación **IVD** para el estudio de la **Enfermedad Mínima Residual (MRD)** en pacientes con cánceres hematológicos. **100 veces más sensible** que otros métodos para detectar MRD (1 célula cancerígena/1 millón de leucocitos). **DISPONIBLE PRÓXIMAMENTE.**

<p><b>MM</b></p> <p>MIELOMA MÚLTIPLE</p>	<p><b>DLBCL</b></p> <p>LINFOMA DIFUSO DE CÉLULAS B GRANDES</p>	<p><b>CLL</b></p> <p>LEUCEMIA LINFOCÍTICA CRÓNICA</p>	<p><b>ALL</b></p> <p>LEUCEMIA LINFOBLÁSTICA AGUDA</p>	<p><b>MCL</b></p> <p>LINFOMA DE CÉLULAS DEL MANTO</p>
--	--	---	---	---

**Conozca todos los detalles acerca de ImmunoSeq y sus aplicaciones.**

Para más información, puede contactar con nuestro equipo escribiendo a [dlw@dlongwood.com](mailto:dlw@dlongwood.com) o enviando su consulta a través de nuestra página web [www.dlongwood.com](http://www.dlongwood.com)