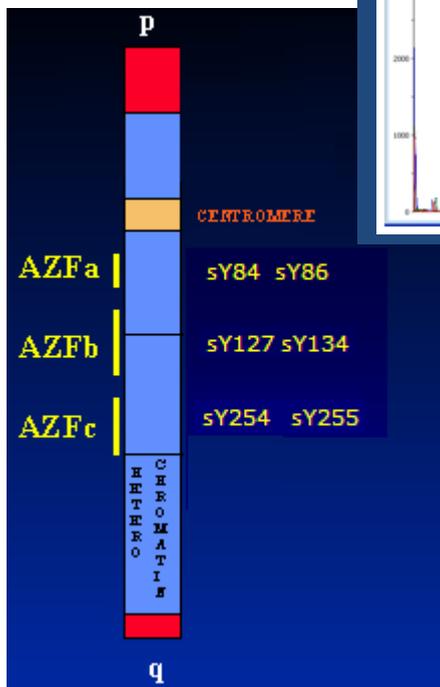
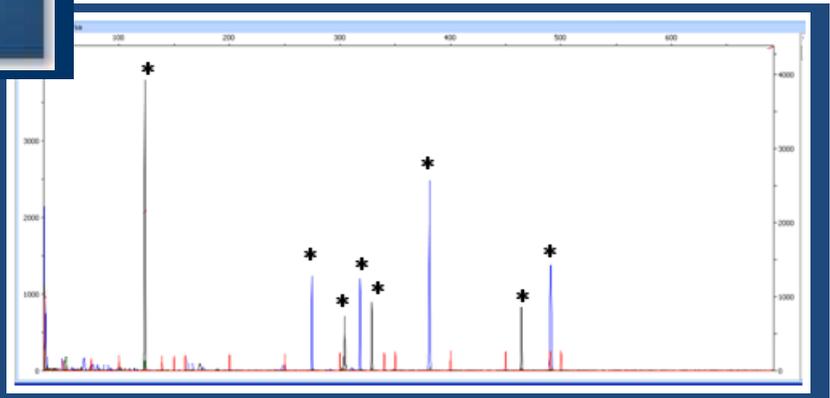




Completo sistema para la detección de microdelecciones en el cromosoma Y mediante un sólo paso de PCR en hombre infértiles

Multiplex Oligo-azoospermia Kit - FL

cod. AZ.021FL



Las **microdelecciones del cromosoma Y** son la segunda causa genética más frecuente del fallo espermatogénico en hombres no fértiles tras el Síndrome de Klinefelter. La incidencia de microdelecciones en estos pacientes es aproximadamente 2-10%; esto varía considerablemente según el criterio de selección de esos pacientes. La porción masculino-específica del cromosoma Y (MSY), donde están las delecciones, se ha subdividido en 3 regiones llamadas **AZFa**, **AZFb**, **AZFc** respectivamente (AZF = Azoospermia Factor). Las microdelecciones se encuentran principalmente en la región AZFc (80%), respecto a AZFb (9%), AZFbc (6%), AZFa (3%) y AFZabc (varones XX: 3%). Se han estudiado distintos genes en estas regiones, pero su papel en la determinación del fenotipo de los pacientes con delecciones aún no está claro.

El análisis de las microdelecciones del brazo largo del cromosoma Y ha cobrado mucha importancia en los últimos años para el diagnóstico de sujetos infértiles, y se realiza actualmente en muchos centros de andrología y medicina reproductiva. Creciendo en el uso de **ICSI** (Inyección Intracitoplasmática de Espermatozoides), ha contribuido además en la investigación de la posible causa genética, dado el riesgo de transmisión de estas alteraciones a la descendencia. De hecho, los pacientes con microdelecciones en el cromosoma Y están entre los principales candidatos a ICSI, ya que se caracterizan por oligozoospermia severa o azospermia con posible presencia de espermatozoides en el testículo que pueden recuperarse mediante TESE (Testicular Sperm Extraction).

Contenido del kit

Nombre	Descripción
AZO MASTER MIX -FL	Mix para amplificación de 6 STS y 2 genes control
ExperTaq polymerase	Taq DNA polimerasa



www.dlongwood.com

Zaragoza - Madrid - Lisboa - Montevideo

Camino del Pilón 86, casa 7. 50011 Zaragoza
Tel. 976320638 dlw@dlongwood.com

¿Cómo funciona?

El *Multiplex Oligo-azoospermia kit-FL*, creado según las guías publicadas por la **Academia Europea de Andrología** y la **EMQN** (European Molecular Genetics Quality Network), utiliza un panel de **6 STS** (Sequence Tag Site) localizados en las tres regiones **AZF**. Estos STS se amplifican mediante una PCR multiplex y se separan mediante electroforesis capilar. El kit utiliza un sistema de tres marcadores fluorescentes y está validado para el análisis en los Analizadores Genéticos **CEQ** (Beckman Coulter) y **ABI** (Applied Biosystem). El **gen ZFX/ZFY** elegido como control interno de la PCR, está presente en el ADN masculino y femenino; y es útil para distinguir los resultados negativos de un posible fallo en la reacción de amplificación. El **gen SRY** se ha incluido como un control para la región determinante del sexo en el brazo corto del cromosoma Y, y para la presencia de secuencias Y-específicas en caso de estar el gen ZFY ausente (varón XX).

Muestra de partida: sangre periférica

Aislamiento DNA: QIAamp DNA blood mini kit, QIAcube, QIASymphony (Qiagen), High Pure PCR template preparation kit (Roche).

Secuenciador: CEQ 8000/8800 Genetic Analysis System (Beckman Coulter); 310, 3100, 3130, 3730, 3500 Genetic Analyzers (Applied Biosystems).

Procedimiento: de acuerdo con las Guías de Buenas Prácticas EAA/EMQN para diagnóstico molecular de microdelecciones del cromosoma Y.

¿Por qué utilizar este kit?

Todos los STS y genes de control incluidos en el kit se amplifican juntos en una **reacción PCR multiplex** de un sólo paso y se analizan automáticamente en analizadores genéticos. Es una solución **rentable** con **menos manipulación** y sin necesidad de gel de agarosa teñido con EtBr tóxico.

Los **STS** utilizados en este kit ofrecen la oportunidad de realizar un diagnóstico preciso de las microdelecciones del cromosoma Y al detectar casi todas las delecciones relevantes desde un punto de vista clínico, siendo más del 95% de las delecciones de las regiones **AZFa**, **b**, **c** descritas en la literatura.